SEQUENCE LISTING

- <110> Brown, Tracey Jean
 Brownlee, Gary Russell
- <120> THE MODULATION OF HYALURONAN SYNTHESIS AND DEGRADATION IN THE TREATMENT OF DISEASE
- <130> 650064.407USPC
- <140> US 10/547,903
- <141> 2004-10-11
- <150> PCT/AU2004/001383
- <151> 2004-10-11
- <150> AU 2003906658
- <151> 2003-12-01
- <150> AU 2003905551
- <151> 2003-10-10
- <160> 51
- <170> PatentIn version 3.4
- <210> 1
- <211> 27
- <212> DNA
- <213> Artificial Sequence
- <220>
- <223> Sense primer for human HAS2
- <400> 1
- gagctgaaca agatgcattg tgagagc

<210> 2	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Antisense primer for human HAS2	
<400> 2	0.0
gacatggtgc ttgatgtatg atcttccat	29
<210> 3	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer for PCINeo	
<400> 3	
gcacagatgc gtaaggag	18
<210> 4	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for GSP2	
<400> 4	
gctgtgtaca tgacctcgcg cttgccgcc	29
<210> 5	

₹

<211>	19		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220>			
<223>	Sense primer for GSP4	:	
<400>	5		
ggcggg	aagt aaactcgac		19
	•		
<210>			
<211>	20		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220>	•		
<223>	Sense primer for HAS1		
<400>	6	i .	
cctgca	tcag cggtcctcta		20
<210>	7	,	
<211>	18		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220>			
<223>	Antiense primer for HAS1		
	7		
gccggt	catc cccaaaag		18
		•	
	8	•	
<211>	27		

<212> DNA

:

<213>	Artificial Sequence	
<220>	<i>t</i>	
<223>	Sense primer for HAS2	
<400>	8	
	ttgc agcagtttct tgaggcc	27
aacccc	etge ageagettet tgagget	~ .
<210>	·	
<211>		
<212>		
	Artificial Sequence	
(213)	Artificial Sequence	
<220>		
	Conne animon for UNGO	
<223>	Sense primer for HAS2	
<400>	9 ′	
cagtcc	tggc ttcgagcag	19
<210>	10	
<211>	21	
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HAS2	
<400>	10	
ttggga	gaaa agtetttgge t	21
<210>	11	
<211>	28	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	

<220>		
	5	i
<223> Sens	se primer for HAS2	1
<400> 11		
ccattgaacc	: agagacttga aacagccc	28
<210> 12		
<211> 21		•
<212> DNA	1	1
<213> Art	ificial Sequence	
	•	
.220		
<220>		
<223> Sens	se primer for HAS3	
		T.
<400> 12		
ttgcactgtg	gtcgtcaact t	21
<210> 13		
<211> 21		
<212> DNA		
•	ificial Sequence	· ·
1110	arretar bequence	
-220-		
<220>		
<223> Anti:	sense primer for HAS3	
<400> 13		
gtcgaggtca	aacgttgtga g	. 21
<210> 14		
<211> 32		
<212> DNA		
	ificial Sequence	
<220>		•
-2222 Comm	o mains for UNGS	

<400> 14	
tcaaatcaaa aacaggcagg tacaggtagt gg	32
<210> 15	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for GAPDH	
<400> 15	
aaggtgaagg tcggagtcaa c	21
<210> 16	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Antisense primer for GAPDH	
<400> 16 :.	
gagttaaaag cagccctggt g	21
.210. 17	
<210> 17	
<211> 22	
<212> DNA .	
<213> Artificial Sequence	
· <220>	
<223> Sense primer for GAPDH	
The series primer for GAPDII	
<400> 17	

tttggtcgta ttgggcgcct gg	22
<210> 18	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HYAL1	
<400> 18	
gcacagggaa gtcacagatg tatgtgc	27
<210> 19	
<211> 24	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Antisense primer for HYAL1	
<400> 19	
ccactggtca cgttcaggat gaag	24
<210> 20	
<211> 25	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HYAL2	
<400> 20	
gatgtgtatc gccggttatc acgcc	25
<210> 21	

<211>	25 :	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HYAL2	
	,	
<400>	21	
cgtaga	ctgg gagtgcatgg ttggc	25
<210>	22	
	23	
<212>	·	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	Congo puinou for IWAL 2	
<2237	Sense primer for HYAL3	
<400>	22	
	atgg aggatacgct gcg	23
<210>	23	
<211>	25	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HYAL3	
<400>	23	
	gact gcaggccatc gctgc	25
<210>	24	
<211>	21	
<212>	PRT	
<213>	human	

<400> 24

Ala Ala Arg Gly Pro Leu Asp Ala Ala Thr Cys Arg Ala Leu Leu Tyr

1 5 10 15

Pro Arg Ala Arg Val

20

<210> 25

<211> 11

<212> PRT

<213> human

<400> 25

Gly Gly Leu Val Arg Ser Val Ala His Glu Ala

L 5 . 10

<210> 26

<211> 17

<212> PRT

<213> human

<400> 26

Gly Ala Tyr Arg Glu Val Glu Ala Glu Asp Pro Gly Arg Leu Ala Val

1 5 10 15

Glu

<210> 27

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

:

<223> \$	Sense primer for HAS1	,
<400>	27	
cctgcat	ccag cggtcctcta	20
<210>	28	
<211>	19	
<212>	DNA	,
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223> \$	Sense primer for HAS2	
<400>	28	
cagtcc	tggc ttcgagcag	19
<210>	29	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
		<i>;</i>
<220>		
<223> 3	Sense primer for HAS3	
<400>	29	
ttgcact	tgtg gtcgtcaact t	21
<210>	30	
<211>	21	(
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223> 8	Sense primer GAPDH	
<400>	30	

aaggtgaagg tcggagtcaa c	21
<210> 31	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HYAL1	
<400> 31	
gcacagggaa gtcacagatg tatgtgc	27
<210> 32	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HYAL2	
<400> 32	
gcacagggaa gtcacagatg tatgtgc	27
•	
<210> 33	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HYAL3	
<400> 33	
gcacagggaa gtcacagatg tatgtgc	27

;

<210>	34	
<211>	18	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HAS1	
<400>		
gccggt	catc cccaaaag	18
<210>		
<211>		
<212>	,	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	Antisense primer for HAS2	
<400>	35	
ttggga	gaaa agtctttggc t	21
<210>	36	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	·	
<220>	·	
<223>	Antisense primer for HAS3	
<400>	36	
gtcgag	gtca aacgttgtga g	21
J210s	27	
<210>	37	

<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for GAPDH	
<400>		
gagtta	aaag cagccctggt g	21
	38	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>	•	
	Antisense primer for HYAL1	
(223)	And Sense primer for MADI	
<400>	38	
ccactg	gtca cgttcaggat gaag	24
<210>	39	
<211>	25	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HYAL2	
400		
	39	2-
cytaga	ctgg gagtgcatgg ttggc	25
<210>	40	
<211>	25	

<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Antisense primer for HYAL3	
<400>	40	
gctggt	gact gcaggccatc gctgc	25
<210>	41	
<211>		
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Hybridisation probe for HAS1	
<400>	•	
aacctc	ttgc agcagtttct tgaggcc .	27
<210>		
<211>	· ·	
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	Hybridisation probe for HAS2	
\L_23\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\	hybridibación probe for mbb	
<400>	42	
ccattg	aacc agagacttga aacagccc	28
,		
<210>	43	
<211>	32	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	

<220>	
<223> Hybridisation probe for HAS3	
<400> 43	
tcaaatcaaa aacaggcagg tacaggtagt gg	32
<210> 44	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Hybridisation probe for GAPDH	
<400> 44	
tttggtcgta ttgggcgcct gg	22
<210> 45	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Sense primer for HAS2	
<400> 45	
gagctgaaca agatgcattg tgagagc	27
<210> 46	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Anticense primer for UAS2	

<400> 46
gacatggtgc ttgatgtatg atcttccat 29
<210> 47
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Primer for pCL-neo
<400> 47
gcacagatgc gtaaggag 18
<210> 48
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> GSP2 sense primer
<400> 48
gctgtgtaca tgacctcgcg cttgccgcc 29
<210> 49
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> GSP4 sense primer

ggcgggaagt aaactcgac	19
<210> 50	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Alu sense primer	
<400> 50	
gtgaaacccc gtctctacta aaaatacaaa	30
<210> 51	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Alu antisense primer	
<400> 51	
gcgatctcgg ctcactgcaa	20